

研究受託サービス

RNA-Seq

検体を渡すだけで解析結果がお手元に

RNA-Seq

イルミナ株式会社「NovaSeq™ 6000」を用いて取得した網羅的な配列情報より、遺伝子の発現量を解析いたします。

受託フロー

国内で全ての工程を実施いたします

STEP
01

お問い合わせ

ご希望の解析内容をお問い合わせください。
解析内容に合わせてお見積りいたします。

STEP
02

集荷依頼

解析内容をご発注いただいた後、
集荷員に検体をお渡しください。

STEP
03

シーケンス実施

凍結検体や細胞など様々な検体種から
RNA 抽出、ライブラリ調製、シーケンスを実施いたします。

STEP
04

解析 / 納品

必要に応じて遺伝子発現解析（DEG 解析）
まで行った結果を納品いたします。

対象検体種類



※記載以外の材料をご希望の際はお問い合わせ時にお申し付けください。

シーケンス解析仕様

使用シーケンサー

- NovaSeq™ 6000

リード長

- 100bp ペアエンド (PE)

標準取得リード数

- 2000 万ペアリード[※]

ライブラリ調製キット

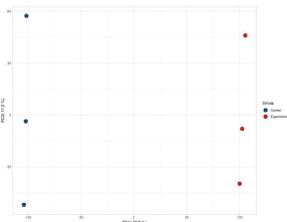
- Illumina® Stranded mRNA Prep
- Illumina® Stranded Total RNA Prep with Ribo-Zero™ Plus
- Illumina® RNA Prep with Enrichment

※標準取得リード数以上のリード数をご希望の際は問い合わせ時にお申し付けください。

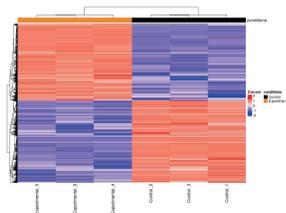
データ解析内容 / 納品物例

- データ QC、リードトリミング
- マッピング、リードカウント、TPM 値の算出
- 主成分分析、階層的クラスタリング解析、ヒートマップ作成
- DEG 解析
- GO 解析

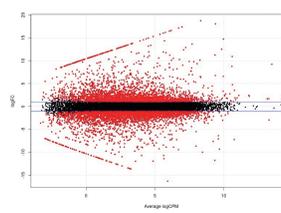
※Raw Data (fastq ファイル) のみご希望の際は問い合わせ時にお申し付けください。



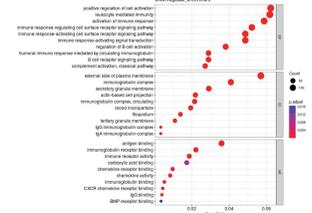
主成分分析



ヒートマップ



MA プロット



GO プロット

株式会社エスアールエル SRL Genomics 本部

〒107-0052 東京都港区赤坂 1-8-1 赤坂インターシティ AIR

■ Mail srl-wgs@hugp.com

■ Web <https://www.srl-group.co.jp/research-testing/esoteric.html>

